



HAIN
LIFESCIENCE

A Hain Lifescience
oferece **testes
moleculares** e
equipamentos
para detecção
precisa de
patógenos e
suas resistências.

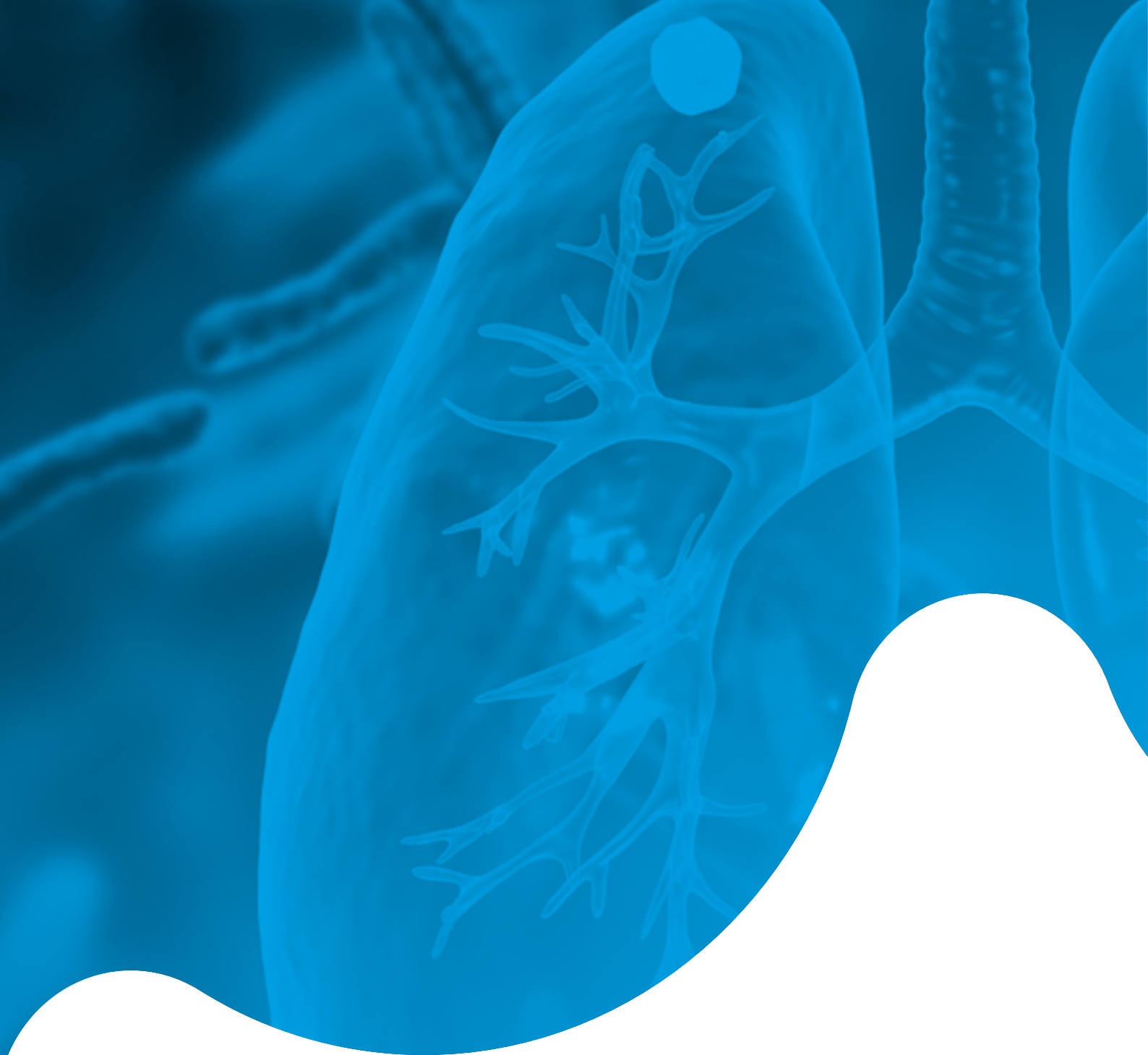
Confira a linha
no site da Mobius

Aponte a câmera para o QRCode.



Distribuído por:

MOBIUS



MICOBACTÉRIA

Sistemas e testes que não podem faltar em seu laboratório.

Nossos testes moleculares permitem a triagem eficiente de:

- Tuberculose (TB) e detecção de resistência às drogas rifampicina, isoniazida, aminoglicosídeos/peptídeos cíclicos, fluoroquinolonas e etambutol;
- Detecção da resistência aos macrolídeos e aos aminoglicosídeos em diversas micobactérias não tuberculosas (MNT) clinicamente relevantes;
- Detecção de Hanseníase e suas resistências;
- Detecção de espécies de micobactérias não tuberculosas (MNT).

Tuberculose (TB)

A tuberculose (TB) é uma das doenças infecciosas de maior prevalência no mundo. Um único paciente com TB ativa pode infectar de 10 a 15 pessoas por ano. Quatro parâmetros são de crucial importância para o controle desta doença:

- Diagnóstico rápido;
- Prevenção da propagação da doença;
- Tratamento efetivo com antituberculínicos;
- Prevenção do desenvolvimento de resistência às drogas.

A linha TB da **Hain Lifescience** oferece um sistema de diagnóstico rápido, fácil e custo-efetivo que são pré-requisitos para um tratamento eficiente e contingência da tuberculose.

Micobactérias Não Tuberculosas (MNT)

A incidência de infecções causadas por micobactérias não tuberculosas (MNT) tem aumentado durante os anos e, consequentemente, regimes terapêuticos adequados têm se tornado cada vez mais importantes.

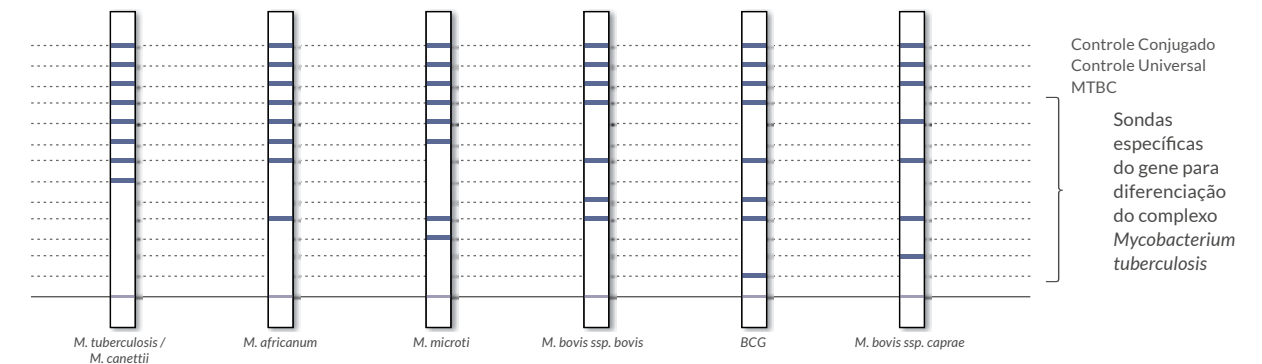
Infecções causadas por essas micobactérias são difíceis de tratar devido à resistência às drogas. Assim, os resultados dos tratamentos diferem significativamente.

IDENTIFICAÇÃO E DIFERENCIAÇÃO DE ESPÉCIES

MICOBACTÉRIA

GenoType MTBC

Ensaio genético molecular para diferenciação do complexo *M. tuberculosis*.



Características

O GenoType MTBC permite a identificação genética molecular do *M. tuberculosis* / *M. canettii*, *M. bovis ssp. bovis*, *M. bovis ssp. caprae*, *M. africanum*, *M. microti* de amostras de cultura e cepas da vacina *M. bovis* BCG (Bacille Calmette-Guérin).

Princípio do teste

GenoType MTBC é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA do *Mycobacterium* é extraído a partir de amostras clínicas e de cultura, especificamente amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle Universal e Controle MTBC.

Benefícios

Eficiência: detecção e diferenciação simultânea das espécies pertencentes ao complexo *M. tuberculosis* em um processamento único. Como material inicial, amostras sólidas ou líquidas de cultura podem ser utilizadas.

Confiabilidade: controles internos evidenciam resultados válidos, assegurando, portanto, diagnósticos de alta confiabilidade.

Rapidez: resultados disponíveis em algumas horas, comparados com várias semanas para detecção convencional.

GenoType Mycobacterium CM

Ensaio molecular genético para detecção do complexo *M. tuberculosis* e 20 espécies clinicamente relevantes de MNT.

Características

O GenoType Mycobacterium CM permite a identificação genética molecular, a partir de material cultivado e amostras clínicas, do Complexo *Mycobacterium tuberculosis*, assim como das seguintes espécies de micobactérias não tuberculosas: *M. avium*, *M. chelonae*, complexo *M. abscessus*, grupo *M. fortuitum*, *M. gordonae*, *M. intracellulare*, *M. scrofulaceum*, *M. szulgai*, *M. interjectum*, *M. kansasii*, *M. malmoense*, *M. marinum*/*M. ulcerans* e *M. xenopi*.

Princípio do teste

O GenoType Mycobacterium CM é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA do *Mycobacterium* é extraído a partir de amostras clínicas e de cultura, especificamente amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado e Controle Interno.

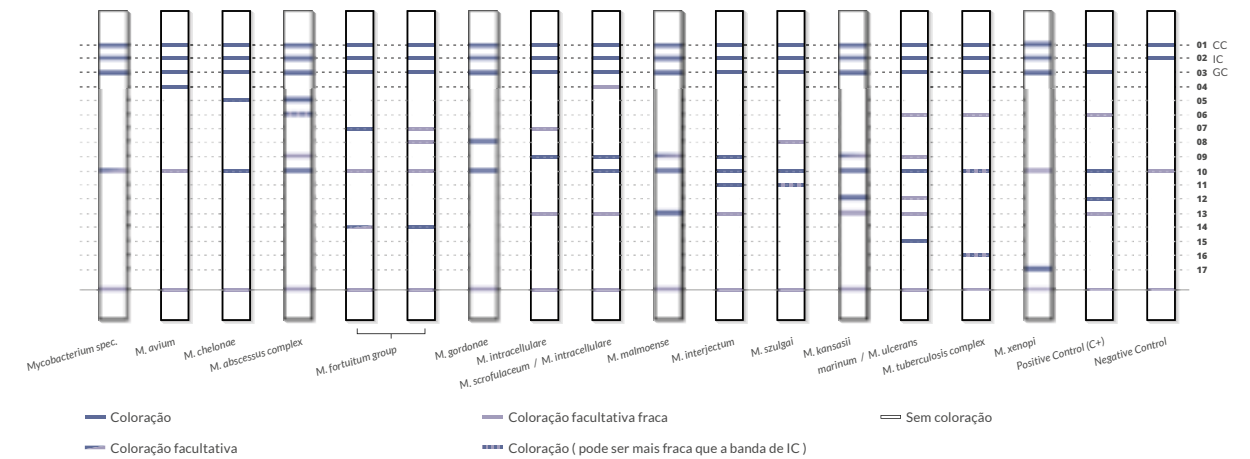
Benefícios

Eficiência: detecção do complexo *M. tuberculosis* e 20 espécies de MNT clinicamente relevantes em um único procedimento.

Confiabilidade: controles internos evidenciam a validade dos resultados.

Rapidez: resultados obtidos em algumas horas, comparados com várias semanas para detecção convencional.

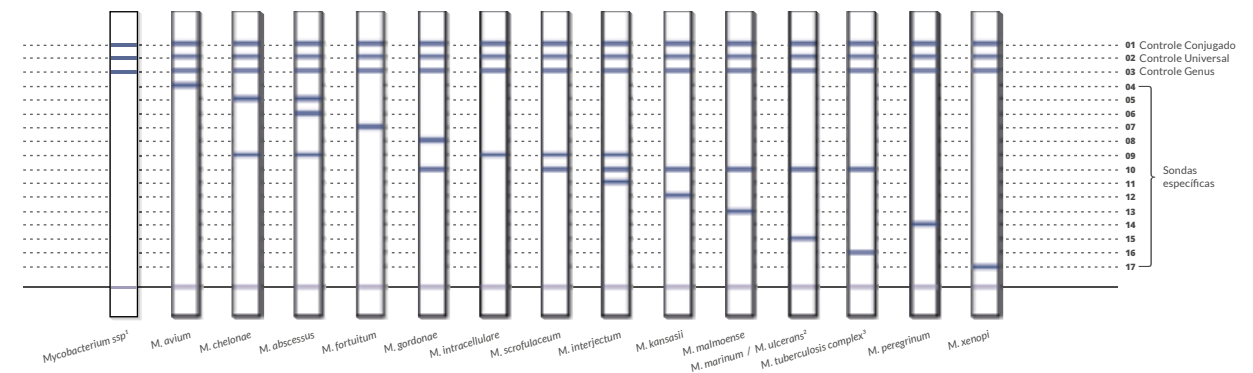
GenoType CMdirect VER 1.0



DETECÇÃO	Complexo <i>M. tuberculosis</i> e 20 espécies clinicamente relevantes de MNT.
AMOSTRAS	Amostras clínicas.

PRODUTO COM REGISTRO NA ANVISA Nº **80502070087**

GenoType CM VER 2.0



¹As espécies podem ser posteriormente diferenciadas com GenoType Mycobacterium AS

²Para posterior diferenciação utilizar GenoType Mycobacterium AS

³Para posterior diferenciação utilizar GenoType MTBC

DETECÇÃO	Complexo <i>M. tuberculosis</i> e 20 espécies clinicamente relevantes de MNT.
AMOSTRAS	Amostras de Cultura.

PRODUTO COM REGISTRO NA ANVISA Nº **80502070073**

GenoType Mycobacterium AS

Ensaio genético molecular para detecção posterior de 19 espécies de MNT clinicamente relevantes.

Características

O GenoType Mycobacterium AS permite a identificação genética molecular, a partir de material cultivado, das seguintes espécies de micobactérias não tuberculosas: *M. simiae*, *M. mucogenicum*, *M. goodii*, *M. celatum*, *M. smegmatis*, *M. genavense*, *M. lentiflavum*, *M. heckeshornense*, *M. szulgai*/*M. intermedium*, *M. phlei*, *M. haemophilum*, *M. kansasii*, *M. ulcerans*, *M. gastri*, *M. asiaticum* e *M. shimoidei*.

Princípio do teste

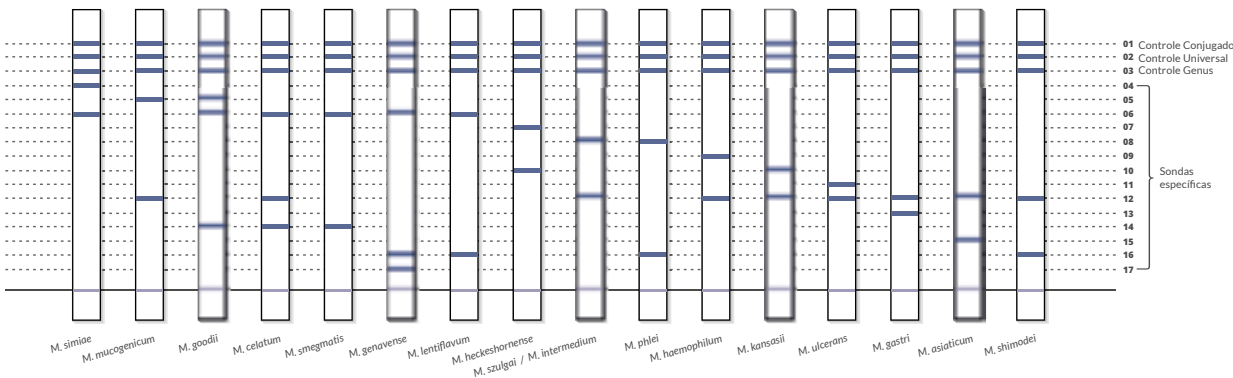
O GenoType Mycobacterium AS é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA do *Mycobacterium* é extraído a partir de amostras de cultura, especificamente amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado e Controle Interno.

Benefícios

Eficiência: detecção e identificação de 19 espécies de MNT clinicamente relevantes em um único processamento. A extração e amplificação do DNA não é necessária, uma vez que o amplicon gerado com o Kit GenoType Mycobacterium CM pode ser utilizado para o processamento.

Confiabilidade: a alta sensibilidade permite até mesmo a identificação de culturas fracopositivas e culturas mistas de micobactéria de crescimento rápido e lento.

Rapidez: resultados obtidos em algumas horas, comparados com várias semanas para detecção convencional.



Micobactérias Não Tuberculosas

<i>M. abscessus</i>	Bioquimicamente similar à <i>M. chelonae</i> , <i>M. fortuitum</i> , <i>M. peregrinum</i> : predominante na Europa, doença pulmonar crônica, infecções de feridas.
<i>M. alvei</i>	Similar à <i>M. peregrinum</i> , bacilo ambiental não patogênico, crescimento rápido.
<i>M. avium</i>	Complexo MAIS (<i>Mycobacteria-avium-intracellulare-scrofulaceum</i>), bacilo ambiental ubíquo, doenças pulmonares, causa linfadenite em crianças, crescimento lento.
<i>M. celatum</i>	Similar à <i>M. xenopi</i> , crescimento lento.
<i>M. chelonae</i>	Causa lesões cutâneas, abscessos subcutâneos, raramente tuberculose pulmonar, disseminando TB em pacientes com imunodeficiência.
<i>M. fortuitum</i>	Crescimento rápido, não pigmentado.
<i>M. gastri</i>	Pode facilmente ser confundido com <i>M. avium</i> ou <i>M. kansasii</i> , sem relevância clínica.
<i>M. genavense</i>	Relacionado à <i>M. simiae</i> , causa infecções oportunistas, crescimento lento.
<i>M. goodii</i>	Relacionado à <i>M. smegmatis</i> e o complexo <i>M. fortuitum</i> , infecção após fraturas de osso, crescimento rápido.
<i>M. gordonae</i>	Contaminante frequente de amostras clínicas, e/ou em água, sem relevância clínica.
<i>M. haemophilum</i>	Em pacientes com imunodeficiência, causa abscessos cutâneos, crescimento lento.
<i>M. heckeshornense</i>	Muito relacionado à <i>M. xenopi</i> , patógeno humano, crescimento lento.
<i>M. immunogenum</i>	Similar à <i>M. chelonae</i> e <i>M. abscessus</i> , associado com infecções de catéter.
<i>M. interjectum</i>	Similar à <i>M. scrofulaceum</i> e <i>M. simiae</i> , conexão com linfadenite crônica, crescimento lento.
<i>M. intermedium</i>	Causa doenças pulmonares.
<i>M. intracellulare</i>	Complexo MAIS, causa doenças pulmonares, tuberculose disseminada, tuberculose infecciosa (em particular quando relacionado a AIDS), crescimento lento.
<i>M. kansasii</i>	Causa doença pulmonar, linfadenite, TB disseminada em pacientes com imunodeficiência, crescimento lento.

Micobactérias Não Tuberculosas

M. lentiflavum	Relacionado à M. genavense, extração inicial de pacientes com spondylodiscitis, crescimento lento.
M. malmoense	Causa linfadenite cervical (particularmente em crianças), infecções pulmonares, crescimento lento.
M. mageritense	Relacionado à M. fortuitum e M. peregrinum, inicialmente extraído de escarro, crescimento rápido.
M. marinum	Causa lesões cutâneas (granuloma de piscina), crescimento lento.
M. mucogenicum	Similar à M. fortuitum, causa infecções de feridas pós-traumáticas e sepse associada ao catéter, crescimento rápido.
M. palustre	Bacilo ambiental potencialmente patogênico, crescimento lento, forma colônias amarelas.
M. peregrinum	Similar à M. fortuitum, sem relevância clínica significativa, crescimento rápido.
M. phlei	Ubíquo, não patogênico, crescimento rápido.
M. scrofulaceum	Complexo MAIS, causa linfadenite (em crianças), tuberculose disseminada em pacientes com imunodeficiência, crescimento lento.
M. septicum	Similar à M. peregrinum, patogenicidade é assumida.
M. shimoidei	Considerado um patógeno pulmonar, crescimento lento.
M. simiae	Sinais clínicos similares à M. avium, raramente causa tuberculose pulmonar, crescimento lento.
M. smegmatis	Similar à M. fortuitum, pode causar infecções de tecidos moles, crescimento rápido.
M. szulgai	Causa doença similar à tuberculose, adenite cervical, crescimento lento.
M. ulcerans	Intimamente relacionado à M. marinum, causa ulcerações cutâneas (tópica), crescimento lento.
M. xenopi	Pode causar doenças pulmonares, ocorre em água, crescimento lento.

DETECÇÃO
DIRETA E TESTE DE
SUSCETIBILIDADE
ÀS DROGAS

Tuberculose TB

O aumento da TB Multi Droga Resistente (MDR) é uma questão globalmente alarmante. MDR-TB é definida como uma TB que é resistente a pelo menos rifampicina e isoniazida, as duas mais poderosas drogas de primeira linha. Com o objetivo de prevenir a propagação da TB resistente e oferecer a terapia mais apropriada, a detecção rápida e direta da MDR-TB é mandatória.

O kit **GenoType MTBDRplus** é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP que permite a detecção do complexo *M. tuberculosis* e sua resistência contra rifampicina e isoniazida diretamente de amostras clínicas e amostras cultivadas.

TB Extensivamente Resistente (XDR-TB) é definida como uma MDR-TB com resistência adicional às fluoroquinolonas e a um agente de segunda linha (Amicacina, Canamicina ou Capreomicina). O diagnóstico e tratamento da XDR-TB é ainda mais desafiador uma vez que as cepas deixam os pacientes praticamente sem opções de tratamento.

O kit **GenoType MTBDRsl** pode ser realizado sequencialmente ao **GenoType MTBDRplus**, usando o mesmo isolado de DNA. Assim, um teste eficiente para XDR-TB é possível.

MNT

O kit **GenoType NTM-DR** permite a detecção de várias MNTs clinicamente relevantes, incluindo a diferenciação entre *M. intracellulare* e *M. chimaera*. Além disso, a resistência das micobactérias a macrolídeos e aminoglicosídeos também são detectadas dentro da mesma etapa. Assim, o **GenoType NTM-DR** fornece informações cruciais como pré-requisito para um adequado regime terapêutico.

HANSENÍASE

Mesmo que se pense que a hanseníase tenha sido erradicada, de acordo com a Organização Mundial da Saúde (OMS), cerca de 3 milhões de pessoas sofrem com as consequências a longo prazo.

A hanseníase, também conhecida como doença de Hansen, é uma doença infecciosa crônica, causada por *Mycobacterium leprae*, um bacilo álcool-ácido resistente. Os bacilos afetam a pele, mucosas, nervos periféricos, olhos e órgãos internos e, em alguns casos, os gânglios linfáticos. O tempo de incubação da doença pode levar até 20 anos ou mais.

O kit **GenoType LepraeDR** é o primeiro sistema comercial de testes de genética molecular para a detecção de *Mycobacterium leprae*, garantindo um resultado rápido e confiável para a identificação de *M. leprae* e suas resistências antibióticas à rifampicina, ofloxacina e dapsona em poucas horas.

GenoType MTBDRplus

Ensaio molecular genético para detecção do complexo *M. tuberculosis* a sua resistência à rifampicina e/ou isoniazida.

Princípio do teste

GenoType MTBDRplus é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA do *Mycobacterium* é extraído a partir de amostras clínicas ou material de cultura, especificamente amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle de Amplificação, Complexo *M. tuberculosis* e Controle de Loci.

Características

O **GenoType MTBDRplus** permite a detecção genética molecular simultânea do(a):

- Complexo *M. tuberculosis*;
- Resistência à rifampicina através da detecção das mutações mais comuns no gene *rpoB*;
- Resistência à isoniazida: Para detecção de alto nível de resistência à isoniazida, o gene *katG* é examinado. Para baixo nível de resistência à isoniazida a região promotora do gene *inhA* é examinada.

A partir de baciloscopia positiva ou negativa de amostras clínicas pulmonares ou de amostras de cultura.

Benefícios

Eficiência: complexo *M. Tuberculosis* e sua resistência à rifampicina e/ou isoniazida são, simultaneamente, detectadas em uma única amostra de paciente. O teste é, portanto, perfeitamente adequado para triagem de MDR-TB, para identificação do complexo MTB e monoresistências.

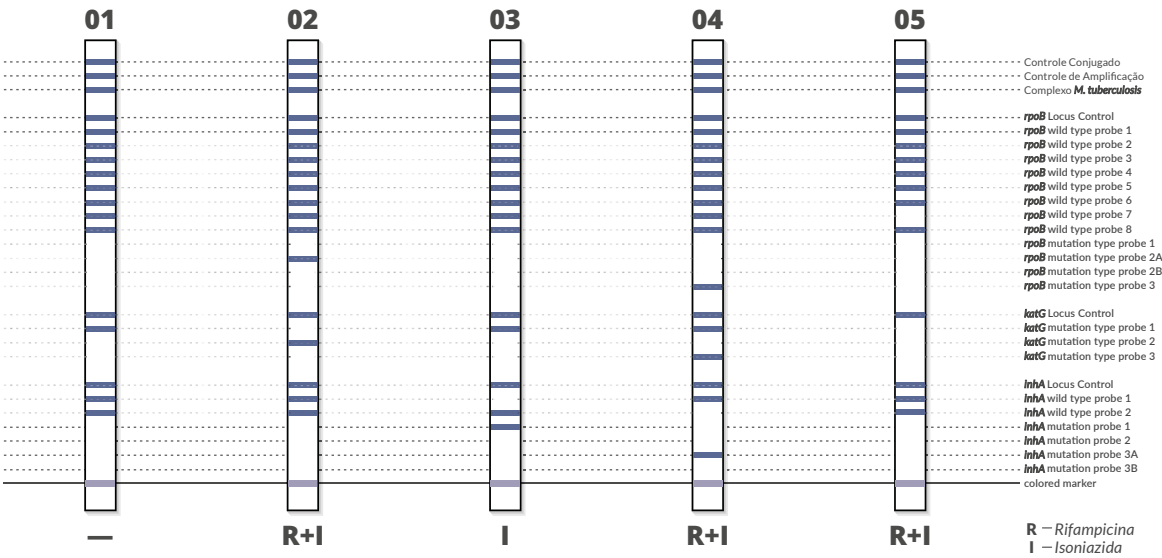
Rapidez: resultados em algumas horas, comparado com algumas semanas para detecção convencional do teste de suscetibilidade às drogas.

Facilidade: mix de amplificação pronto para uso fornecida com o kit.

Flexibilidade: a extração de DNA pode ser realizada tanto manualmente quanto automatizada. Amplificação, detecção e avaliação também podem ser automatizados. O teste, portanto, é adequado para rotinas de pequeno, médio e grande porte.

Custo-benefício: poucos equipamentos são necessários para a implementação. Portanto, seu set-up econômico possibilita a utilização em laboratórios de qualquer tamanho.

GenoType MTBDR^{plus}



PRODUTO COM REGISTRO NA ANVISA Nº 80502070057

GenoType MTBDR^s

Ensaio molecular genético para detecção do complexo *M. tuberculosis* e sua resistência à fluoroquinolonas e/ou aminoglicosídeos/peptídeos cíclicos e/ou etambutol.

Características - GenoType MTBDR^s VER. 2.0

	DETECÇÃO DE	Complexo <i>M. tuberculosis</i> e sua resistência às fluoroquinolonas, aminoglicosídeos/peptídeos cíclicos.
	AMOSTRAS	Baciloscopia positiva e negativa. Amostras pulmonares e de cultura.
	ETAMBUTOL	—
	FLUOROQUINOLONA	Detecta mutações nos genes <i>gyrA</i> e <i>gyrB</i> .
	CANAMICINA	Detecta mutações no gene <i>eis</i> .
	AMINOGLICOSÍDEOS / PEPTÍDEOS CÍCLICOS	Detecta mutações no gene <i>rrs</i> .

PRODUTO COM REGISTRO NA ANVISA Nº 80502070068.

GenoType MTBDR^s

Princípio do teste

GenoType MTBDR^s é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA do *Mycobacterium* é extraído a partir de amostras de paciente ou material de cultura, especificamente amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle de Amplificação, Complexo *M. tuberculosis* e Controle de Loci.

Benefícios

Eficiência: O sistema é perfeitamente adequado para detecção de XDR-TB em pacientes previamente diagnosticados com MDR-TB. Para um diagnóstico por fases, o sistema de teste pode ser utilizado sequencialmente ao GenoType MTBDR^{plus} utilizando o mesmo isolado de DNA.

Sensibilidade: pode ser utilizado com amostras pulmonares de baciloscopia negativa.

Rapidez: resultados disponíveis em algumas horas, comparado com várias semanas para detecção convencional.

GenoType NTM-DR

Ensaio molecular genético para detecção e diferenciação de diversas NTM, assim como sua resistência a macrolídeos e aminoglicosídeos.

Características

O **GenoType NTM-DR** permite a detecção genética molecular simultânea do(e):

- Membros do complexo *Mycobacterium avium*: inclui as espécies *M. avium*, *M. intracellulare* e *M. chimaera*;
- Membros do complexo *Mycobacterium abscessus*: inclui a subespécie *M. abscessus subsp. abscessus*, *M. abscessus subsp. bolletii* e *M. abscessus subsp. Massiliense*;
- Resistência aos macrolídeos: identificada pela caracterização de uma parte do gene *erm* e resistência do gene *rml*;
- Resistência aos aminoglicosídeos: mutações do gene *rrs*.

A partir de material cultivado.

Princípio do teste

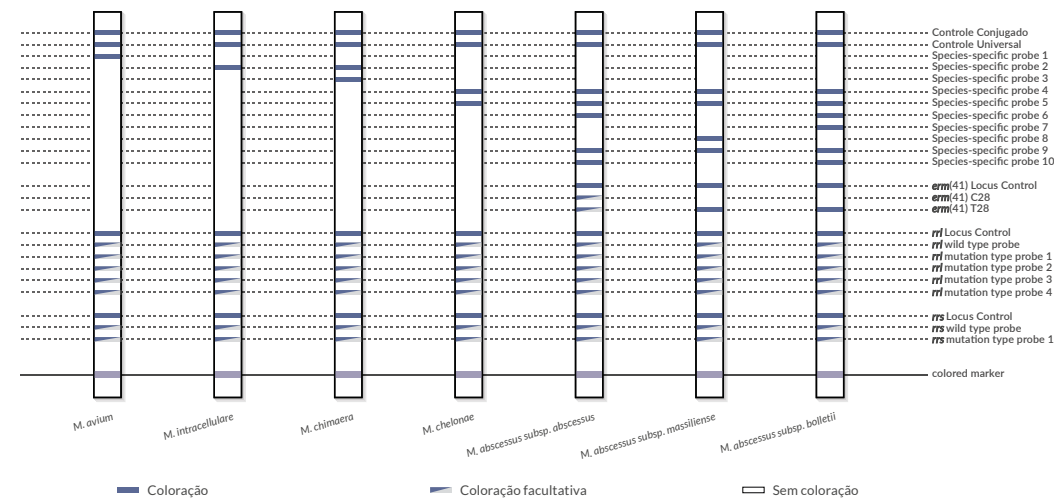
GenoType NTM-DR é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA é extraído a partir de amostras de material cultivado, amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle Universal e Controle de Loci.

Benefícios

Inovação: o teste exclusivo que pode diferenciar *M. intracellulare* e *M. chimaera*, utilizando tecnologia comprovada.

Facilidade: tecnologia DNA-STRIP permite tanto o processamento manual quanto o automatizado, tornando a implementação dessa conveniência no seu laboratório facilmente possível.

Rapidez: resultados com informações detalhadas disponíveis em algumas horas, apresentando economia de tempo quando comparado com os métodos convencionais.



GenoType LepraeDR

Ensaio molecular genético para a detecção de *Mycobacterium leprae* e sua resistência à rifampicina, ofloxacina e dapsona.

Características

O **GenoType LepraeDR** permite a detecção genética molecular simultânea do(e):

- *M. leprae*;
- Resistência à rifampicina pela detecção das mutações mais significativas do gene *rpoB* (codificado pela subunidade- β da RNA polimerase);
- Resistência à ofloxacina e outras fluoroquinolonas pela detecção das mutações mais significativas do gene *gyrA* (codificado pela subunidade-A da DNA girase);
- Resistência à dapsona pela detecção de regiões relevantes do gene *folP1* (codificado pela dihidropteroato sintetase).

Princípio do teste

GenoType LepraeDR é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA é extraído a partir de amostras de baciloscopia cutânea positiva, amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle Universal, *Mycobacterium leprae* e Controle de Loci.

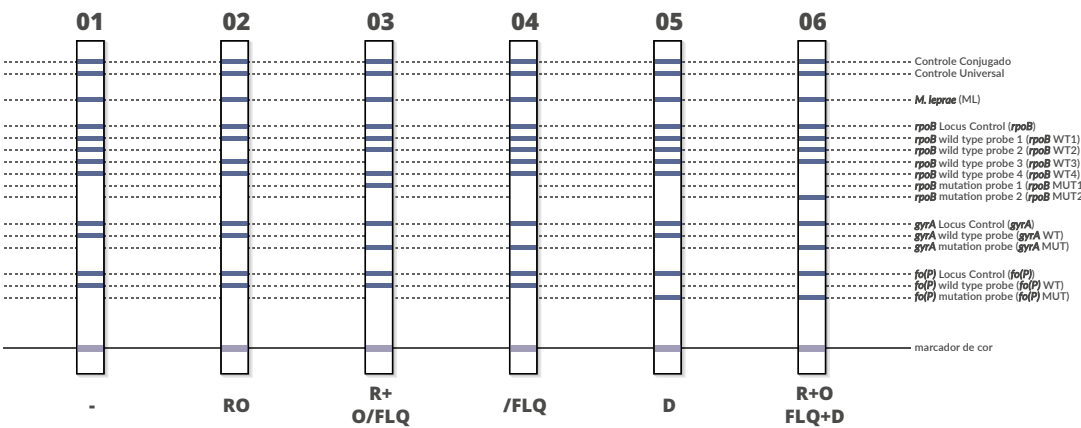
Benefícios

Inovação: primeiro sistema de teste comercial para a detecção molecular de *Mycobacterium leprae*.

Eficiência: detecção de resistência às drogas de primeira e segunda linha, em um único passo. Permite um tratamento precoce e adequado que reduz as consequências a longo prazo.

Confiabilidade: seguro e confiável devido aos controles internos e à combinação de amplificação específica e hibridização.

Rapidez: resultados com informações detalhadas disponíveis em algumas horas, apresentando economia de tempo quando comparado com os métodos convencionais.



MICROBIOLOGIA

Sistemas e testes que não podem faltar em seu laboratório.

Nosso teste molecular permite a triagem eficiente de:

- *Helicobacter pylori* e suas resistências.

— *Helicobacter pylori*

Praticamente metade da população mundial é colonizada por *Helicobacter pylori* (*H. pylori*), apesar de muitos pacientes serem assintomáticos.

A *H. pylori* é considerada uma causa comum da doença gastroduodenal e é responsável por uma grande porcentagem de úlceras gástricas, gastrite e refluxo gástrico. A infecção crônica por *H. pylori* também é um fator de risco para o desenvolvimento do câncer gástrico e do linfoma MALT (Tecido Linfoide associado à mucosa).

Devido à associação com cânceres malignos, a terapia de erradicação é indicada na evidência de uma infecção por *H. pylori*. Sendo corretamente aplicada, a terapia é bem sucedida na maioria dos casos. No entanto, aplicada erroneamente, ela resulta em um aumento das taxas de resistência à claritromicina. Nesses casos, a troca por antibióticos alternativos é necessária.

MICROBIOLOGIA

GenoType HelicoDR

Ensaio molecular genético para detecção de *H. pylori* e a sua resistência à claritromicina e/ou às fluoroquinolonas.

Princípio do teste

GenoType HelicoDR é baseado na tecnologia de PCR e DNA-STRIP. O DNA é extraído a partir de amostras de biópsia ou cultura primária, amplificado por PCR e detectado em uma membrana strip utilizando hibridização reversa e uma reação de coloração enzimática. Os resultados são validados pelo desenvolvimentos das bandas do Controle do Conjugado, Controle de Amplificação, *Helicobacter pylori* e Controle de Loci.

Características

O **GenoType HelicoDR** permite a detecção genética molecular simultânea do(e):

- Resistência às fluoroquinolonas pela detecção das mutações mais comuns no gene *gyrA*;
- Resistência à claritromicina pela detecção das mutações mais comuns no gene rRNA 23S, incluindo a diferenciação dos seus 4 tipos selvagens, tornando possível detectar simultaneamente diferentes infecções ou cepas heterogêneas.

A partir de amostras de biópsia ou cultura primária.

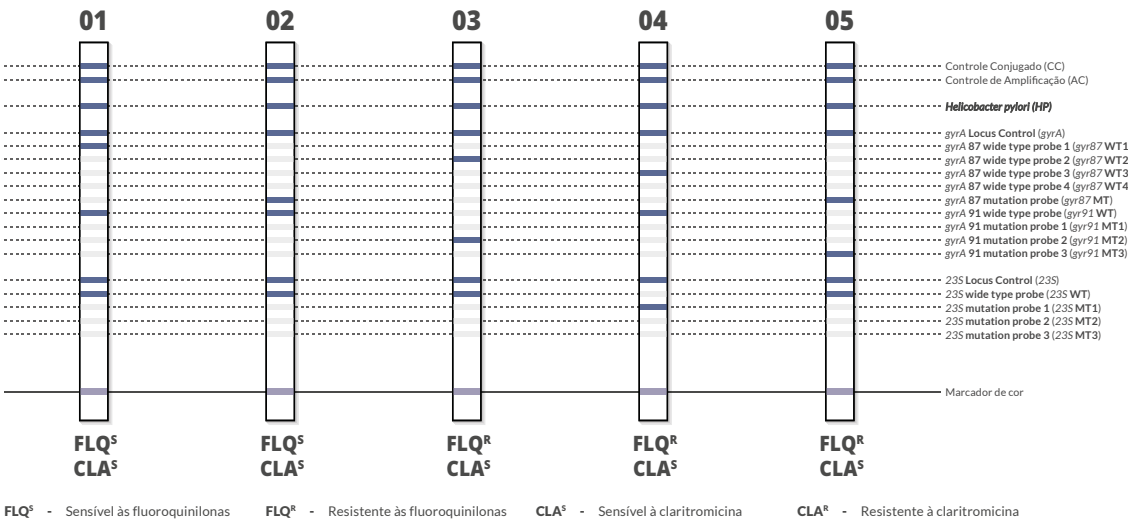
Benefícios

Eficiência: combina duas etapas de diagnóstico em um único procedimento (detecção precisa de *H. pylori* + análise de resistência à claritromicina e/ou às fluoroquinolonas).

Facilidade: em contraste com métodos convencionais, essa metodologia é menos limitada, uma vez que a detecção do DNA através do **GenoType HelicoDR** não requer células viáveis.

Rapidez: resultados com informações detalhadas disponíveis em algumas horas, apresentando economia de tempo quando comparado com os métodos convencionais.

Flexibilidade: a tecnologia do DNA-STRIP permite tanto o processamento manual, quanto o automatizado. Portanto, pode ser facilmente implementada no laboratório, de acordo com a necessidade e infra-estrutura.



DESCRIÇÃO DOS KITS

KITS HAIN

Micobactéria

Identificação e Diferenciação de Espécies

DESCRIÇÃO	REF.MODELO	APLICAÇÃO	APRESENTAÇÃO
<i>GenoType MTBC</i>	H-301	Diferenciação do complexo <i>M. tuberculosis</i> a partir de amostras de cultura.	12 testes
<i>GenoType Mycobacterium CM</i>	299A	Detecção do complexo <i>M. tuberculosis</i> e 20 espécies de MNT clinicamente relevantes a partir de amostras de cultura.	12 testes
	29996A		96 testes
<i>GenoType Mycobacterium CMdirect</i>	H-295	Detecção do complexo <i>M. tuberculosis</i> e 20 espécies de MNT clinicamente relevantes a partir de amostras clínicas.	12 testes
<i>GenoType Mycobacterium AS (RUO)</i>	1876616	Detecção de 19 espécies de MNT clinicamente relevantes a partir de amostras de cultura.	12 testes

Micobactéria

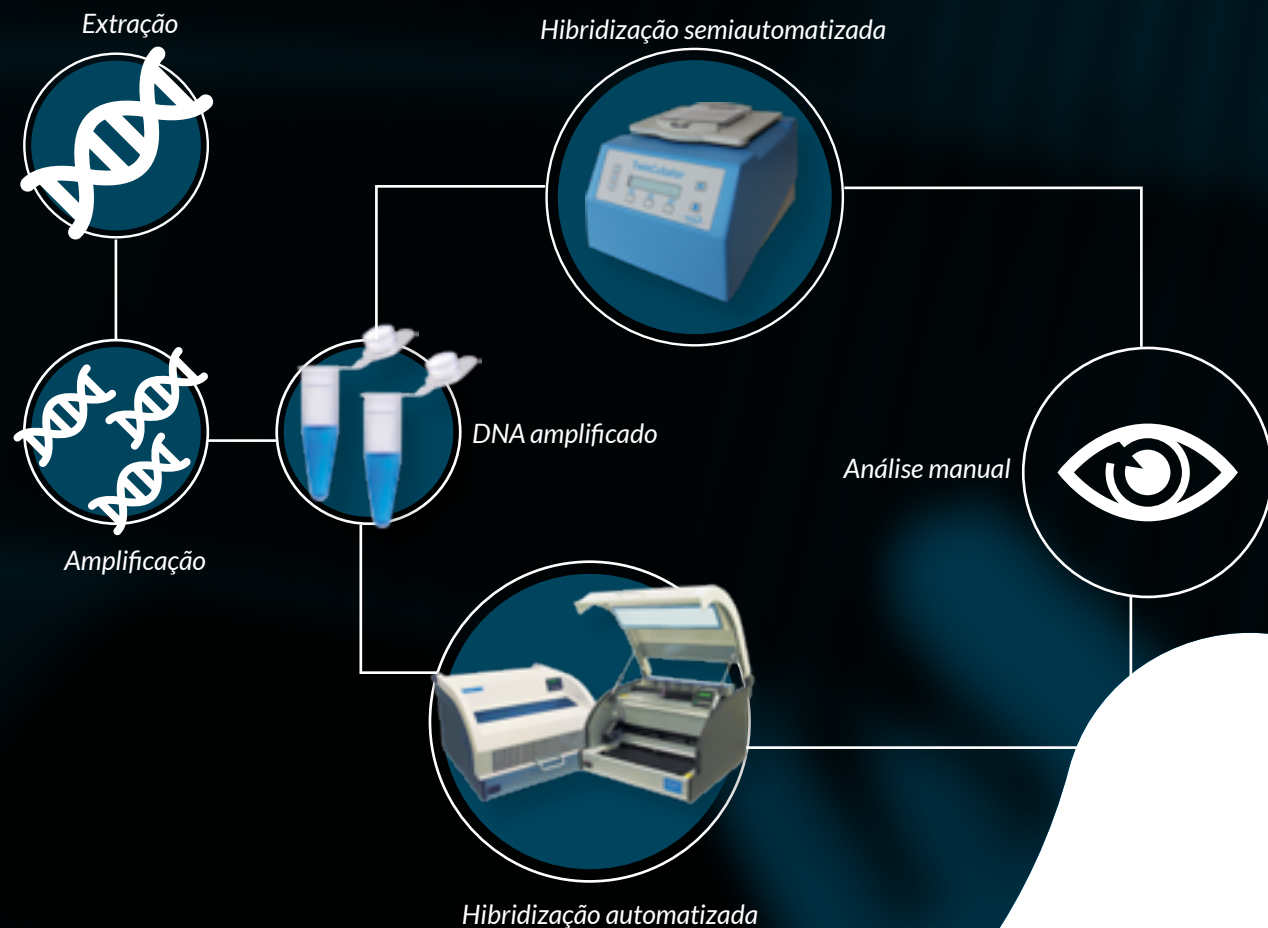
Teste de Suscetibilidade às Drogas

DESCRIÇÃO	REF.MODELO	APLICAÇÃO	APRESENTAÇÃO
<i>GenoType MTBDRplus VER 2.0</i>	304A	Detecção do complexo <i>M. tuberculosis</i> e sua resistência à rifampicina e/ou isoniazida a partir de amostras clínicas ou de cultura.	12 testes
	30496A		96 testes
<i>GenoType MTBDRsl VER 2.0</i>	317A	Detecção do complexo <i>M. tuberculosis</i> e sua resistência às fluoroquinolonas e aminoglicosídeos/peptídeos cíclicos a partir de amostras clínicas ou de cultura.	12 testes
	31796A		96 testes
<i>GenoType NTM-DR</i>	29712	Detecção e diferenciação de diversas MNT, assim como sua resistência a macrolídeos e aminoglicosídeos, a partir de material cultivado.	12 testes
<i>GenoType LepraeDR VER 1.0</i>	H-320	Detecção de <i>Mycobacterium leprae</i> e sua resistência à rifampicina, ofloxacina e dapsona, a partir de amostras de baciloscopia cutânea positiva.	12 testes

Microbiologia

Teste de Suscetibilidade às Drogas

DESCRIÇÃO	REF.MODELO	APLICAÇÃO	APRESENTAÇÃO
<i>GenoType HelicoDR</i>	H-337	Ensaio molecular genético para detecção de <i>H. pylori</i> e a sua resistência à claritromicina e/ou às fluoroquinolonas de amostras de biópsia ou cultura primária.	12 testes



EQUIPAMENTOS

Hain LifeScience

Tecnologia e simplicidade para o seu laboratório

Os equipamentos da Hain LifeScience foram desenvolvidos para facilitar a rotina do seu laboratório, utilizando um processamento simples e confiável, aliado à tecnologia avançada.

Padronizados para atender aos requisitos dos sistemas de hibridização de testes **GenoType**, todos os equipamentos já apresentam rotinas pré-instaladas, tanto nas versões semiautomatizadas (Twincubator) quanto nas automatizadas (GT-Blot 48), atendendo às diversas demandas laboratoriais.

EQUIPAMENTOS

GT-BLOT 48

Automatizado - até 48 amostras

Sistema totalmente automatizado, realiza a hibridização de até **48 amostras** de uma única vez, com a possibilidade de processar vários testes em conjunto.



Especificações Técnicas	REFERÊNCIA	1003/1 (110V) 1003/1 (220V)
	Capacidade	Até 48 tiras
	Volume de pipetagem	1 – 4 mL
	Número de canais de dispensação	6 canais
	Dimensões (LxAxC)	64 x 45 x 62 cm
	Peso	45 kg
	Tensão	100 – 120V AC, 50 / 60 Hz, ou 220 – 240 V AC, 50 / 60 Hz
	Registro ANVISA	80502070066

Vantagens

Controle exato de temperatura

Por meio de sistema de aquecimento de bandejas.

Frascos de reagentes com código de cores

Proporcionam facilidade e comodidade durante o uso.

Consumo racional de reagentes

Por meio de sistema de recirculação, os fluidos remanescentes dos canais de cada frasco podem ser reutilizados, economizando em consumíveis e garantindo o uso racional de reagentes.

TWINCUBATOR

Semiautomatizado – até 12 amostras

Plataforma de hibridização rápida e simples, ideal para o processamento semiautomatizado de até **12 amostras**.



Especificações Técnicas	REFERÊNCIA 7025009	
	Capacidade	12 tiras
	Número de programas	9 programas com até 20 passos
	Faixa de temperatura	4 – 105°C, incremento 1°C
	Velocidade de aquecimento	0,3°C/s
	Velocidade de resfriamento	0,2°C/s
	Dimensões (LxAxC)	27,5 x 21,0 x 32,5 cm
	Peso	12 kg (com bloco)
	Tensão	100 – 240 V AC, 50 / 60 Hz
	Registro ANVISA	80502070060

Vantagens

Equipamento dedicado

Desenvolvido especificamente para atender aos requisitos dos sistemas de teste GenoType da Hain Lifescience.

Facilidade de uso

Apresenta avisos sonoros que informam quando as soluções tampão precisam ser alteradas durante os passos da hibridização.

EXTRAÇÃO DE DNA GENÔMICO

O método rápido para extração manual de DNA genômico bacteriano de amostras.

GenoLyse

O GenoLyse permite a extração de DNA genômico bacteriano altamente purificado em apenas 03 etapas rápidas. A extração pode ser a partir de amostras de escarro, lavado brônquico, secreção traqueal, suco gástrico, urina, swab cervical e colônia.

ESPECIFICAÇÃO	DESCRIÇÃO
Amostra	Escarro, lavado brônquico, secreção traqueal, suco gástrico, urina, swab cervical e colônia.
51610	96 testes
Registro ANVISA	80502070061

MOBIUS

Parcerias únicas.
Soluções personalizadas.

info@mobiuslife.com.br

+55 (41) 3401-1850 | 0800-7101850

Rua Jandaia do Sul, 441 - Pinhais/PR - Brasil

 mobiuslife.com.br